

Seqlist.txt

SEQUENCE LISTING

<110> Novartis AG
McCullough, Karen
Wolfgang, Curt

<120> USE OF GENETIC POLYMORPHISMS TO PREDICT
DRUG INDUCED HEPATOTOXICITY

<130> DV/4-33390A

<150> 60/508,972

<151> 2003-10-06

<160> 18

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1

<211> 20

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<220>

<221> variation

<222> (1)...(20)

<223> PG locus ID 279; interleukin 1, alpha gene
(X03833) positions 541 - 560; "C" variant at
position 549

<221> variation

<222> (9)...(0)

<223> C

<400> 1

aggcaacacc attgaaggct

20

<210> 2

<211> 20

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<220>

<221> variation

<222> (1)...(20)

<223> PG locus ID 279; interleukin 1, alpha gene
(X03833) positions 541 - 560; "T" variant at
position 549

<221> variation

<222> (9)...(0)

<223> T

<400> 2

aggcaacatc attgaaggct

20

<210> 3

<211> 20

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<220>

<221> variation

<222> (1)...(20)

<223> PG locus ID 302; interleukin 1, alpha gene
(X03833) positions 6270 - 6290; "G" variant at

Seqlist.txt

position 6282

<221> variation
 <222> (12)...(0)
 <223> G

<400> 3
 agcctagggtc agcacctttt

20

<210> 4
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> variation
 <222> (1)...(20)
 <223> PG locus ID 302; interleukin 1, alpha gene
 (X03833) positions 6270 - 6290; "T" variant at
 position 6282

<221> variation
 <222> (12)...(0)
 <223> T

<400> 4
 agcctagggtc atcacctttt

20

<210> 5
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)...(19)
 <223> PCR primer 2D6L1F1

<400> 5
 ctgggctggg agcagcctc

19

<210> 6
 <211> 23
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)...(23)
 <223> PCR primer 2D6L1R1

<400> 6
 cactcgctgg cctgtttcat gtc

23

<210> 7
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)...(22)
 <223> PCR primer 2D6L2F

<400> 7
 ctggaatccg gtgtcgaagt gg

22

<210> 8

Seq1ist.txt

<211> 20
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)...(20)
 <223> PCR primer 2D6L2R2

<400> 8
 ctcggcccct gcactgtttc 20

<210> 9
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)...(22)
 <223> PCR primer 2D6L3F

<400> 9
 gaggcaagaa ggagtgtcag gg 22

<210> 10
 <211> 23
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)...(23)
 <223> PCR primer 2D6L3R5B

<400> 10
 agtcctgtgg tgaggtgacg agg 23

<210> 11
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)...(19)
 <223> PCR primer CYP3A4Exon10F

<400> 11
 tggatggccc acattctcg 19

<210> 12
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> primer_bind
 <222> (1)...(20)
 <223> PCR primer CYP3A4Exon10R

<400> 12
 cttcctacat agagtcagtg 20

<210> 13
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

Seqlist.txt

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(21)
<223> PCR primer PXR 252 F

<400> 13
ggacacagag tctgttcttg g 21

<210> 14
<211> 22
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(22)
<223> PCR primer PXR 252 R

<400> 14
gaagatgaag gattcctctg gg 22

<210> 15
<211> 23
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(23)
<223> PXR 11156 F

<400> 15
gacaaggcta cgctgacaat cag 23

<210> 16
<211> 24
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(24)
<223> PXR 11156 R

<400> 16
gcttgcgat gtttctatit ccac 24

<210> 17
<211> 21
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(21)
<223> PXR 24113 F

<400> 17
cgagcaaag aacttaccac c 21

<210> 18
<211> 21
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind

Seqlist.txt

<222> (1)...(21)
<223> PXR 24113 R

<400> 18
tgcaggacca gagagcatca g

21